

S2 Table. Copy number alterations in samples from each patient with BTC

Status	Gene	Chromosome	Location	AMCBTC-01	AMCBTC-02	AMCBTC-03	AMCBTC-04	AMCBTC-05	Total
Amplification	<i>EGFR</i>	Chr7:55086875-152373228	7p11.2	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Gain	<i>CDKN2C</i>	Chr1:27105492-53158655	1p32.3	0/2 (0)	0/2 (0)	5/6 (83)	0/5 (0)	0/5 (0)	5/20 (25)
Gain	<i>MPL</i>	Chr1:27105492-53158655	1p34.2	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Gain	<i>DDR2</i>	Chr1:120572461-248802600	1q23.3	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Gain	<i>GATA2, RPN1</i>	Chr3:128199843-185826355	3q21.3	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Gain	<i>PIK3CA</i>	Chr3:128199843-185826355	3q26.32	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Gain	<i>FXR1</i>	Chr3:128199843-185826355	3q26.33	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Gain	<i>ETV5</i>	Chr3:128199843-185826355	3q27.2	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Gain	<i>FAM193A</i>	Chr4:367073-2661724	4p16.3	0/2 (0)	0/2 (0)	5/6 (83)	0/5 (0)	0/5 (0)	5/20 (25)
Gain	<i>GTPBP2</i>	Chr6:10756595-79424575	6p21.1	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	4/5 (80)	0/5 (0)	4/20 (20)
Gain	<i>HDAC9</i>	Chr7:6012969-19035749	7p21.1	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Gain	<i>HGF</i>	Chr7:55086875-152373228	7q21.11	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Gain	<i>CASD1, PON2</i>	Chr7:55086875-152373228	7q21.3	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Gain	<i>MET</i>	Chr7:55086875-152373228	7q31.2	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Gain	<i>MYBL1</i>	Chr8:12957342-82588654	8q13.1	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Gain	<i>MYC</i>	Chr8:90947740-144940837	8q24.21	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Gain	<i>CCNE1</i>	Chr19:29566989-38376166	19q12	0/2 (0)	0/2 (0)	5/6 (83)	0/5 (0)	0/5 (0)	5/20 (25)
Gain	<i>CEBPA</i>	Chr19:29566989-38376166	19q13.11	0/2 (0)	0/2 (0)	5/6 (83)	0/5 (0)	0/5 (0)	5/20 (25)
Gain	<i>WDR87</i>	Chr19:29566989-38376166	19q13.13	0/2 (0)	0/2 (0)	5/6 (83)	0/5 (0)	0/5 (0)	5/20 (25)
Deletion	<i>SYCP1</i>	Chr1:97544472-120548225	1p13.2	0/2 (0)	0/2 (0)	5/6 (83)	0/5 (0)	0/5 (0)	5/20 (25)
Deletion	<i>ARID1A</i>	Chr1:27105492-53158655	1p36.11	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Deletion	<i>PRAMEF13</i>	Chr1:8064515-27102457	1p36.21	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Deletion	<i>FGFBP1</i>	Chr4:3432298-55604790	4p15.32	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Deletion	<i>ZNF141, CRIPAK</i>	Chr4:367073-2661724	4p16.3	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)

Deletion	<i>FAM193A</i>	Chr4:367073-2661724	4p16.3	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Deletion	<i>ANTXR2</i>	Chr4:55946086-103808650	4q21.21	0/2 (0)	0/2 (0)	5/6 (83)	0/5 (0)	0/5 (0)	5/20 (25)
Deletion	<i>FAM175A</i>	Chr4:55946086-103808650	4q21.23	0/2 (0)	0/2 (0)	5/6 (83)	0/5 (0)	0/5 (0)	5/20 (25)
Deletion	<i>MAP3K1</i>	Chr5:56111389-88416524	5q11.2	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Deletion	<i>APC</i>	Chr5:112043352-180076612	5q22.2	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Deletion	<i>AP3S1</i>	Chr5:112043352-180076612	5q22.3- q23.1	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Deletion	<i>CDKN1A</i>	Chr6:10756595-79424575	6p21.2	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	5/5 (100)	0/5 (0)	5/20 (25)
Deletion	<i>KIAA1919, SEC63</i>	Chr6:108214622-161537963	6q21	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	5/5 (100)	0/5 (0)	5/20 (25)
Deletion	<i>AKAP7</i>	Chr6:108214622-161537963	6q23.2	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	5/5 (100)	0/5 (0)	5/20 (25)
Deletion	<i>SYNJ2</i>	Chr6:108214622-161537963	6q25.3	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	5/5 (100)	0/5 (0)	5/20 (25)
Deletion	<i>FAM75A6</i>	Chr9:22005971-115806547	9p11.2	0/2 (0)	0/2 (0)	6/6 (100)	0/5 (0)	5/5 (100)	11/20 (55)
Deletion	<i>CDKN2A, DKN2B</i>	Chr9:21968140-22008965	9p21.3	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Deletion	<i>RUFY2</i>	Chr10:43572617-135440353	10q21.3	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Deletion	<i>CDKN1B</i>	Chr12:4383147-69233641	12p13.1	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	5/5 (100)	0/5 (0)	5/20 (25)
Deletion	<i>KLRC3</i>	Chr12:4383147-69233641	12p13.2	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	5/5 (100)	0/5 (0)	5/20 (25)
Deletion	<i>ARID2</i>	Chr12:4383147-69233641	12q12	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	5/5 (100)	0/5 (0)	5/20 (25)
Deletion	<i>POLE</i>	Chr12:133201219-133264085	12q24.33	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Deletion	<i>EBPL</i>	Chr13:32890534-77581814	13q14.2	0/2 (0)	0/2 (0)	5/6 (83)	0/5 (0)	0/5 (0)	5/20 (25)
Deletion	<i>FBXL3</i>	Chr13:32890534-77581814	13q22.3	0/2 (0)	0/2 (0)	5/6 (83)	0/5 (0)	0/5 (0)	5/20 (25)
Deletion	<i>NFKBIA</i>	Chr14:24806655-105259041	14q13.2	0/2 (0)	0/2 (0)	5/6 (83)	0/5 (0)	0/5 (0)	5/20 (25)
Deletion	<i>OR4M2</i>	Chr15:22368891-66783016	15q11.2	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Deletion	<i>NUTM1</i>	Chr15:22368891-66783016	15q14	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Deletion	<i>KNSTRN</i>	Chr15:22368891-66783016	15q15.1	0/2 (0)	0/2 (0)	5/6 (83)	0/5 (0)	0/5 (0)	5/20 (25)
Deletion	<i>BCL7C</i>	Chr16:30129608-67132742	16p11.2	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Deletion	<i>TP53, AURKB</i>	Chr17:2966140-29706011	17p13.1	0/2 (0)	0/2 (0)	5/6 (83)	5/5 (100)	0/5 (0)	10/20 (50)

Deletion	<i>NF1</i>	Chr17:2966140-29706011	17q11.2	0/2 (0)	0/2 (0)	5/6 (83)	0/5 (0)	0/5 (0)	5/20 (25)
Deletion	<i>RAD51D</i>	Chr17:33427905-33446870	17q12	0/2 (0)	0/2 (0)	5/6 (83)	0/5 (0)	0/5 (0)	5/20 (25)
Deletion	<i>RNF43</i>	Chr17:36339464-77808701	17q22	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Deletion	<i>SMAD2</i>	Chr18:20572720-60985914	18q21.1	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Deletion	<i>SMAD4</i>	Chr18:20572720-60985914	18q21.2	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Deletion	<i>MBD3L4</i>	Chr19:501653-11097205	19p13.3	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Deletion	<i>SLC23A2</i>	Chr20:4850436-58587915	20p13	0/2 (0)	0/2 (0)	5/6 (83)	0/5 (0)	0/5 (0)	5/20 (25)
Deletion	<i>ERG</i>	Chr21:33073203-44524564	21q22.2	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Deletion	<i>U2AF1</i>	Chr21:33073203-44524564	21q22.3	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)
Deletion	<i>PDGFB</i>	Chr22:39621657-42486854	22q13.1	0/2 (0)	0/2 (0)	5/6 (83)	0/5 (0)	0/5 (0)	5/20 (25)
Deep deletion	<i>CDKN2A, DKN2B</i>	Chr9:21968140-22008965	9p21.3	0/2 (0)	0/2 (0)	5/6 (83)	5/5 (100)	0/5 (0)	10/20 (50)
Deep deletion	<i>PTEN, STAMBPL1</i>	Chr10:43572617-135440353	10q23.31	0/2 (0)	0/2 (0)	0/6 (0)	0/5 (0)	5/5 (100)	5/20 (25)

Values are presented as number (%).