S17 Table. Variant allele frequencies of mutations in genes observed in the Pan-Cancer Atlas

		P1								P5				P8			P8
		AAH1	AAH2	AAH3	AIS	MIA1	MIA2	ADC1	ADC2	AAH	AIS	MIA	ADC	AAH	AIS	MIA	ADC
ACVR1B	Chr12:52387833C>T	-	-	-	7%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
ARID2	Chr12:46230651G>T	-	-	-	6%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
ASXL2	Chr2:26022264C>T	-	-	-	-	-	-	23%	23%	-	-	-	-	-	-	-	-
ATF7IP	Chr12:14589055G>A	-	-	5%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
BRD7	Chr16:50353166G>A	-	-	-	6%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
CACNA1A	Chr19:13318283G>T	-	-	-	5%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
CHD4	Chr12:6709538C>A	-	-	-	-	21%	12%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
CIC	Chr19:42791481C>T	-	-	-	-	-	-	21%	22%	-	-	-	-	-	-	-	-
CTCF	Chr16:67663329G>T	-	-	-	8%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DAZAP1	Chr19:1430252A>+G	9%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
EP300	Chr22:41573121G>C	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	17%
EPHA2	Chr1:16458261C>G	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	16%
	Chr3:89391122G>T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	14%
EPHA3	Chr3:89480352T>A	-	-	-	-	-	-	9%	19%	-	-	-	-	-	-	-	-
	Chr3:89521680G>T	-	-	-	-	8%	8%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
ERBB3	Chr12:56495609C>T	-	-	-	-	5%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
ERCC2	Chr19:45862142	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	6%	-	-	-
FGFR2	Chr10:123256192G>A	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	7%	-	-	-	-
FUBP1	Chr1:78435696C>A	6%	-	6%	-	9%	-	6%	-	-	-	-	-	-	-	-	-
	Chr1:78435699T>A	8%	5%	-	-	14%	-	-	7%	-	-	-	-	-	-	-	-
HGF	Chr7:81392055A>G	-	-	-	-	-	-	7%	-	-	-	-	-	-	-	-	-
IRF6	Chr1:209969715G>T	-	-	-	4%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
KDM6A	ChrX:44921907C>T	-	-	-	-	-	-	6%	-	-	-	-	-	-	-	-	-

KMT2A	Chr11:118392633C>T	-	-	4%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
KMT2C	Chr7:151860195T>C	-	-	-	20%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
	Chr7:151900065C>T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	7%	-	-
KMT2D	Chr12:49421001C>G	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4%	8%	6%	-
	Chr12:49434924G>A	-	-	-	6%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
MACF1	Chr1:39789920G>T	-	-	-	13%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
	Chr1:39816665C>A	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4%	-	-
MAP2K4	Chr17:11924258G>T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	6%	-
NOTCH1	Chr9:139391412C>A	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	6%	-	-
PMS1	Chr2:190728499A>G	-	-	-	-	-	-	23%	27%	-	-	-	-	-	-	-
POLE	Chr12:133225936T>C	-	-	-	-	-	-	-	5%	-	-	-	-	-	-	-
PPP2R1A	Chr19:52719872A>G	-	-	-	-	-	4%	-	-	-	-	-	-	-	-	-
PTPRC	Chr1:198685925G>A	-	-	-	-	-	-	-	-	-	10%	-	-	-	-	-
	Chr1:198697486A>G	-	-	-	26%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
	Chr1:198697487T>A	-	-	-	25%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
	Chr1:198697488A>T	-	-	-	25%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
RARA	Chr17:38508267G>A	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5%	-	-
RASA1	Chr5:86679584C>A	-	-	-	-	-	-	7%	-	-	-	-	-	-	-	-
SCAF4	Chr21:33068925C>A	-	-	-	12%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
SF1	Chr11:64534424G>T	-	-	-	10%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
SF3B1	Chr2:198257908G>A	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	22%	-	-	-	-
USP9X	ChrX:40990736C>T	-	-	-	20%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
	ChrX:41073844C>T	-	-	-	-	12%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
WT1	Chr11:32421536G>C	-	-	-	9%	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-

AAH, atypical adenomatous hyperplasia; AIS, adenocarcinoma in situ; MIA, minimally invasive adenocarcinoma; ADC, adenocarcinoma.